

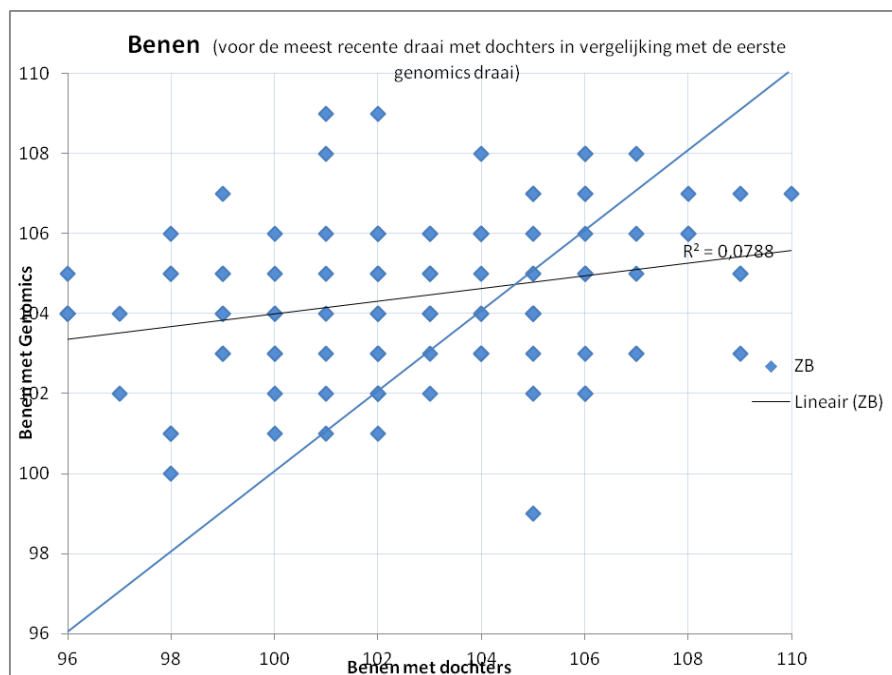
Genomics nog niet praktijkrijp !

Recent is een artikel in het vakblad "Veeteelt" verschenen in verband met de evaluatie van de genomics fokwaarden ten opzichte van de dochter fokwaarden van stieren in Nederland. Gemiddeld houden ze het niveau keurig op peil luidt de conclusie! Dat geeft vertrouwen zou men kunnen denken maar....

In deze recente studie is de laatste genomics draai vergeleken met de laatste draai met dochters. Wat bewijst men hiermee en voor wie? Relevanter is het om de eerste genomics publicatie te nemen aangezien de KI organisatie op basis hiervan stieren selecteert en de veehouder zijn inzet bepaald. Voor een representatieve analyse heeft de NVO deze eerste genomics indexdraai vergeleken met de laatste draai met dochters. Voor deze studie zijn alle 208 stieren (RB + ZB) geanalyseerd die ooit met genomics fokwaarden zijn gepubliceerd en die recent dochters aan de melk hebben gekregen.

Het is niet de eerste keer dat de NVO deze analyse uitvoert. Opvallend is dat naarmate er meer stieren met ook meer dochters in de studie kunnen worden meegenomen de correlatie tussen genomics waarden en dochter fokwaarden verslechterd.

De NVO heeft de verschillende kenmerken stuk voor stuk onder de loep genomen en voor zowel rood- als zwartbont bestudeert. De meeste individuele kenmerken laten grote verschuivingen zien tussen de presentatie van de genomic fokwaarde en de daadwerkelijke dochterprestaties. Alleen de %eiwit genomics voorspelling lijkt redelijk bruikbaar te zijn en te voldoen aan de opgegeven genomics betrouwbaarheid. Voor dit bericht hebben we als voorbeeld het kenmerk benen toegevoegd! In grafiek 1 staan de benenvererving van de zwartbonte stieren samengevat. De NVO presenteert de resultaten wel met gelijke assen in de grafieken en een diagonaal dwars door het midden voor een eerlijke beoordeling.



Grafiek 1: de fokwaarde met dochterinfo voor benen afgezet tegen de genomics fokwaarde

Bij een goede voorspelling zijn de punten verdeeld rondom de diagonaal. Daarnaast geeft de regressielijn de samenhang tussen de twee fokwaarden aan. Bij een goede samenhang zou deze 1 bedragen, maar met 0.08 is het voor benen een volslagen onbruikbare genomics voorspelling!

Stiernaam	Genomics (fw)	dochters (fw) (aug 12)
Sunrise	109 (aug 09)	101
Simon	109 (aug 09)	102
Showtime	108 (aug 08)	107
Retro	108 (aug 09)	106
Mentado	108 (aug 10)	106
Geoffrey	108 (jan 09)	104
Solid	108 (aug 08)	101

Tabel 1: top benenvererfers op basis van genomics (≥ 108) en de laatste fokwaarde op basis van dochterinformatie

In tabel 1 zien we een aantal bekende namen met top genomics waarden voor benen (108 en meer). Bij een strakke genomics selectie op de topdieren worden de afwijkingen nog groter en sterker negatief! Deze afwijkingen zijn gemiddeld groter dan zou moeten kunnen bij de toch al matige genomics betrouwbaarheid.

Er zijn hier verschillende belangen in het spel. De NVO probeert met deze studie zoveel mogelijk het algemeen belang van de veeverbetering te dienen. De resultaten bevestigen het eerder ingenomen NVO standpunt: Genomics is een interessante ontwikkeling maar nog niet praktijkrijp. Met name moeten we waarschuwen voor een tendens om steeds meer te gaan betalen voor een toekomstige fokkerij prestatie gebaseerd op een computervoorspelling met de nog prille genomics modellen. We weten allemaal hoe het mis kan lopen als een markt vooruit gaat lopen op de realiteit en als de waarschuwingssignalen uit het veld worden weggewuifd.

Fokkerij is het stellen van een fokdoel en het inrichten van een programma om dit doel te bereiken middels het betrouwbaar selecteren van de dieren die het meest aan dit fokdoel voldoen gebaseerd op een goede evaluatie. Dit laatste dreigt door de ontwikkelingen in de verdrinking te komen.

De volledige studie is op te vragen bij de NVO

Mocht u naar aanleiding van dit persbericht vragen hebben dan kunt u terecht bij Joop Olieman op 06-51015148.